

四种药用植物的核型分析

黄少甫 赵治芬

关键词 豪猪刺 接骨木 芫荽 箭舌豌豆 染色体数目 核型

豪猪刺(*Berberis julianae* Schneid.) 为小檗科(Berberidaceae)小檗属(*Berberis*)植物, 灌木。分布于贵州、湖北、四川等省海拔1 000 m以上山地。根茎供药用, 可治疮毒、痢疾; 根茎含小檗碱, 是提取黄连素的原料^[1]。接骨木(*Sambucus williamsii* Hance) 为忍冬科(Caprifoliaceae)接骨木属(*Sambucus*)植物, 灌木或小乔木, 分布在温带和亚热带广大地域, 可作跌打损伤药^[1]。芫荽(*Coriandrum sativum* L.) 又名香菜、香荽, 为伞形科(Umbelliferae)芫荽属(*Coriandrum*)植物, 原产地中海, 我国各地均有引种, 茎叶可作蔬菜和调料, 并有健胃消食作用; 果实可提芳香油; 果入药有驱风、透疹、健胃、祛痰之效^[1]。箭舌豌豆(*Vicia sativa* L.) 为豆科(Leguminosae)蚕豆属(*Vicia*)草本植物, 又名救荒野豌豆, 为优良饲料和绿肥; 嫩叶可作蔬菜, 全草药用, 有活血平胃、利五脏、明耳目之效, 捣烂外敷可治疗疗疮^[1]。

本文对上述四种药用植物的核型进行研究, 旨在为其生物系统学研究提供细胞学资料。

1 材料与方方法

本实验所用种子由江苏省植物研究所种子组提供, 凭证标本存江苏省植物研究所标本室。种子在室温下发芽, 取根尖用对二氯苯溶液处理4~6 h; 卡诺氏(3:1)固定液固定过夜; 1 N 盐酸水解4~7 min; 改良石碳酸品红染色; 压片法制片; 镜检。凭证玻片存中国林科院亚热带林业研究所细胞室。观察50个以上细胞确定体细胞染色体数目; 挑选5个以上中期细胞照片按Levan等(1964)命名法作染色体分类; 按Stebbins(1971)的标准作核型分级。

2 结果与讨论

2.1 豪猪刺

豪猪刺的体细胞染色体数目为 $2n = 28 + 2B$, 与赵治芬等报道的结果相同^[2]; 而与Dermen^[3]、Giffen^[4]、Vaarama^[5]报道的结果相比, 多了1对B染色体, 它的形态属于中部着丝点染色体(m) (见图1), 型分析结果见表1、图1, 核型公式为 $K(2n) = 28 + 2B = 24m + 4sm + 2B$ (见图5-

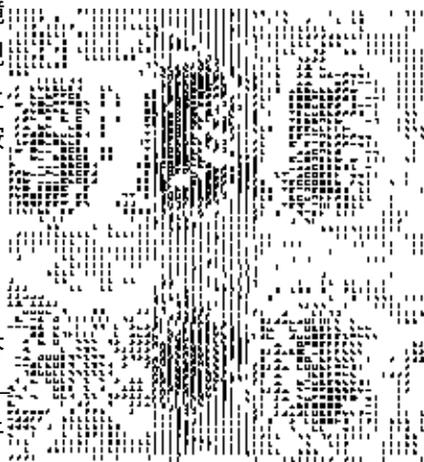


图1 豪猪刺体细胞染色体及其核型

$2n = 28 (\times 250)$

A), B 染色体长度未计入染色体组总长度。最长染色体与最短染色体之比为 1.6, 臂比大于 2 的染色体占染色体组的 0.07, 属 2A 型核型。

2.2 接骨木

接骨木的体细胞染色体数目为 $2n = 36$ (见图 2), 与赵治芬等^[2]、Hsu C C^[6] 和 Chuang T I 等^[7] 报道的结果相同。核型分析结果见表 1, 图 2, 核型公式为 $K(2n) = 36 = 16m + 12sm + 6st(2SAT) + 2t$ (见图 5-B)。Ourecky D. K. 曾报道接骨木属其它 16 个种和 2 个变种的核型, 他将这些种和变种的核型分为两组。A 组: $K(2n) = 36 = 10m + 22sm + 2t(SAT) + 2T$; B 组: $K(2n) = 38 = 8m + 22sm + 2t(SAT) + 6T$ 。根据原文表中数据按 Lev an 等命名法可将上述核型改写为: A 组: $K(2n) = 36 = 10m + 12sm + 10st + 2t(SAT) + 2T$;

B 组: $K(2n) = 38 = 8m + 12sm + 10st + 2t(SAT) + 6T$ 。将两组核型加以比较, A 组比 B 组多 2 条中部着丝点染色体(m), 而 B 组比 A 组多 4 条端部着丝点染色体(T), 故认为 B 组核型是由 A 组核型中 1 对中部着丝点染色体在着丝点部位断裂而成为 2 对端部着丝点染色体(T) 而来。

根据染色体数目, 本实验观察的接骨木应归入 A 组, 但核型与 A 组相比截然不同: (1) m 染色体 16 条, 比 A 组的多 6 条; (2) sm 染色体 8 条, 比 A 组的少 4 条; (3) st 染色体 4 条, 比 A 组的少 6 条; (4) 没有 T 染色体, 而 A 组的有 2 条 T 染色体; (5) 一对随体是在 st 染色体上, 而 A 组的是在 t 染色体上。从核型的对称性来说, 本次观察的接骨木核型属“2A 型”, 染色体臂比大于 2 的占染色体组的比值为 0.5, 而 Ourecky D. K. 观察到的 A 组属“2A 型”, B 组属“3A 型”, A 组的比值为 0.38, B 组为 0.61, 故从核型进化来讲本实验观察的接骨木介于 A 组与 B 组之间。

2.3 芫荽

芫荽的体细胞染色体数目为 $2n = 22$ (见图 3), 与国内外学者报道的相同^[2,9~12]。核型分析结果见表 1、图 3, 核型公式为 $K(2n) = 22 = 2m + 2sm + 16st + 2T$ (见图 5-C)。与胡俊等¹⁾报道的 $K(2n) = 22 = 2m + 14st + 4t + 2T$ 不同, 多 1 对 sm 染色体和 1 对 st 染色体; 少 2 对 t 染色体。属于“3A 型”核型。

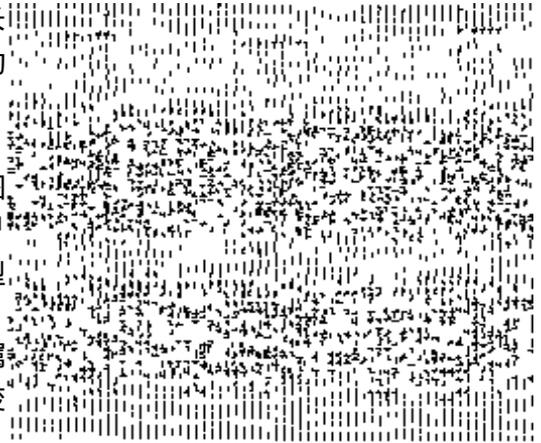


图 2 接骨木体细胞染色体及其核型

$2n = 36$ ($\times 1350$)

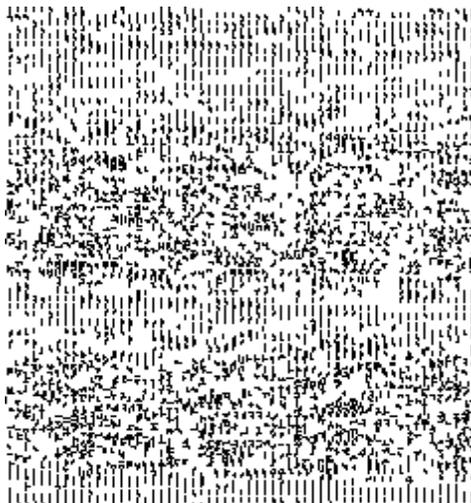


图 3 芫荽体细胞染色体及其核型

$2n = 22$ ($\times 1800$)

1) 胡俊, 利容千, 曾子申. 伞形科蔬菜植物的核型研究. 见: 中国植物学会编. 中国植物学会五十周年年会学术报告及论文摘要汇编. 1983. 452.

表 1 四种药用植物的核型分析结果

种名	染色体编号	相对长度(%)			臂比	染色体类型
		长臂	短臂	全长		
豪猪刺	1	4.47	3.81	8.53	1.24	m
	2	5.24	2.85	8.09	1.84	sm
	3	4.45	3.62	8.07	1.23	m
	4	4.26	3.67	7.93	1.16	m
	5	4.08	3.68	7.76	1.11	m
	6	4.10	3.51	7.61	1.17	m
	7	3.82	3.60	7.42	1.06	m
	8	4.01	3.28	7.29	1.22	m
	9	3.84	3.23	7.07	1.19	m
	10	3.57	3.19	6.76	1.12	m
	11	3.46	2.97	6.43	1.16	m
	12	3.29	2.71	6.00	1.21	m
	13	4.05	1.75	5.80	2.32	sm
	14	2.87	2.34	5.21	1.23	m
接骨木	1	3.56	3.43	6.99	1.08	m
	2	5.09	1.78	6.87	2.86	sm
	3	4.96	1.86	6.82	2.67	sm
	4	4.87	1.70	6.57	2.86	sm
	5	4.66	1.48	6.14	3.15	st
	6	3.39	2.59	5.98	1.31	m
	7	4.28	0.93	5.98	4.60	st* (0.77)
	8	4.16	1.61	5.77	2.58	sm
	9	4.62	1.06	5.68	4.36	st
	10	3.51	2.08	5.59	1.69	m
	11	2.88	2.46	5.34	1.17	m
	12	3.52	1.52	5.04	2.32	sm
	13	2.67	2.16	4.83	1.24	m
	14	2.54	2.21	4.75	1.15	m
	15	2.37	2.25	4.62	1.05	m
	16	2.67	1.91	4.58	1.39	m
	17	4.11	0.38	4.49	10.81	t
	18	2.50	1.40	3.90	1.79	sm
羌萎	1	7.31	4.25	11.56	1.72	sm
	2	7.94	2.60	10.54	3.05	st
	3	7.79	2.12	9.91	3.67	st
	4	7.79	1.81	9.60	4.30	st
	5	7.24	2.28	9.52	3.18	st
	6	5.11	3.46	8.57	1.48	m
	7	6.45	2.12	8.57	3.04	st
	8	6.69	1.81	8.50	3.70	st
	9	6.53	1.81	8.34	3.61	st
	10	6.29	1.34	7.63	4.69	st
	11	7.28		7.28		T
箭舌豌豆	1	18.22	2.34	20.57	7.49	t
	2	17.00	1.60	18.60	10.61	t
	3	13.42	3.45	16.87	3.89	st* (0.95)
	4	9.61	7.51	17.12	1.28	m
	5	14.78	1.85	16.63	8.00	t
	6	8.99	1.23	10.22	7.30	t

2.4 箭舌豌豆

箭舌豌豆的体细胞染色体数目为 $2n = 12$ (见图 4), 与国内外学者报道的结果相同^[2,3,11]。核型分析结果见表 1、图 4, 核型公式为 $K(2n) = 12 = 2m + 2st(SAT) + 8t$ (见图 5-D)。与陈俊才^[13]和 Ladizinsky^[14]报道的“12A”型结果一致; 而与藤原悠纪雄报道的 $K(2n) = 12 = 2sm + 10st(2SAT)$ ^[13]、Ladizinsky 报道的“12B”型 $K(2n) = 2sm + 10t(2SAT)$ 、刘玉红^[15]报道的 $K(2n) = 4m(2SAT) + 6sm + 2st$ 截然不同。可能该种内存在核型的多样性, 应搜集各地种源作进一步的细胞生物学研究。

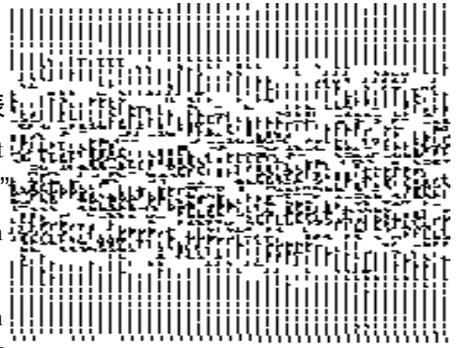


图 4 箭舌豌豆体细胞染色体及其核型 $2n = 12 (\times 2\ 250)$

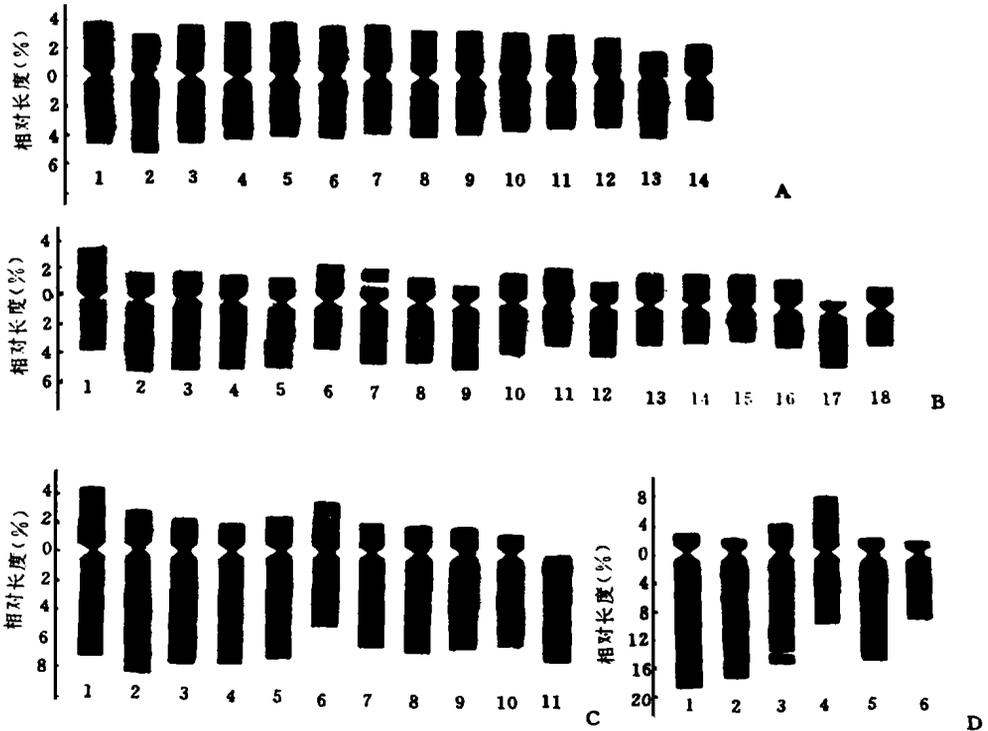


图 5 核型模式
A. 豪猪刺 B. 接骨木 C. 芫荽 D. 箭舌豌豆

参 考 文 献

- 1 中国科学院植物研究所主编. 中国高等植物图鉴. 北京: 科学出版社, 1985.
- 2 赵治芬, 王雅琴, 黄少甫. 植物染色体计数(五). 林业科学研究, 1990, 3(5): 503 ~ 508.
- 3 Dermen H. A study of chromosome number in two genera of Berberidiaceae: *Mahonia* and *Berberis*.

- 4 Giffen M H. The chromosome numbers of *Berberis*. Trans. Bot. Soc. Africa, 1936, 24(3): 203 ~ 206.
- 5 Vaarama A. Contributions to the cytology of the genus *Berberis*. Hereditas, 1947, 33: 422 ~ 424.
- 6 Hsu C C. Preliminary chromosome studies on the vascular plants of Taiwan(). Taiwan, 1969, 14: 11 ~ 27.
- 7 Chuang T I, Chao C Y, Hu W W L, et al. Chromosome numbers of the vascular plant of Taiwan (I). Taiwan, 1962, 7: 51 ~ 56.
- 8 Ourecky D K. Chromosome morphology in the genus *Sambucus*. Amer. J. Bot., 1970, 57(3): 239 ~ 244.
- 9 Bell R, Comstance L. Chromosome numbers in Umbelliferae. Amer. J. Bot., 1960, 53(5): 512 ~ 520.
- 10 Hakanson A. Some chromosome numbers in Umbelliferae. Bot. Notiser, 1953, 301 ~ 307.
- 11 Wanscher J H. Studies on the chromosome numbers of the Umbelliferae. Bot. Tidskr., 1932, 42(1): 49 ~ 59.
- 12 Sharma A K, Bhattacharyya N K. Chromosome numbers in Umbelliferae. Amer. J. Bot., 1959, 47(1): 24 ~ 32.
- 13 陈俊才, 彭先步. 巢菜属(*Vicia*)中几个种的核型比较. 南京师院学报(自然科学版), 1983, (1): 44 ~ 48.
- 14 Ladizinsky G. Chromosomal polymorphism in wild population of *Vicia sativa* L. Caryologia, 1978, 31(2): 233 ~ 241.
- 15 刘玉红. 八种野豌豆属植物的核型研究. 遗传学报, 1988, 15(6): 424 ~ 429.

The Karyotypes of Four Species of Medicinal Plant

Huang Shaofu Zhao Zhifen

Abstract The present paper describes the karyotypes of four species of medicinal plants. According to the terminology defined by Levan et al., their formulas are as follows: *Berberis julianae*: $K(2n) = 28 + 2B = 24m + 4sm + 2B$; *Sambucus williamsii*: $K(2n) = 36 = 16m + 12sm + 6st(2SAT) + 2t$; *Coriandrum sativum*: $K(2n) = 22 = 2m + 2sm + 16st + 2T$; *Vicia sativa*: $K(2n) = 12 = 2m + 2st(SAT) + 8t$.

Key words *Berberis julianae* *Sambucus williamsii* *Coriandrum sativum* *Vicia sativa*
chromosome number karyotype

Huang Shaofu, Associate Professor, Zhao Zhifen(The Research Institute of Subtropical Forestry, CAF Fuyang, Zhejiang 311400).